

(19) 世界知的所有権機関  
国際事務局



(43) 国際公開日  
2005 年10 月6 日 (06.10.2005)

PCT

(10) 国際公開番号  
WO 2005/093066 A1

(51) 国際特許分類: C12N 15/11, A61K 45/00, A61P 19/02, 29/00, 43/00, C07K 14/47, 14/705, C12N 1/15, 1/19, 1/21, 5/10, C12P 21/02, C12Q 1/68, G01N 33/15

(74) 代理人: 園田 吉隆, 外(SONODA, Yoshitaka et al.); 〒1630453 東京都新宿区西新宿二丁目1番1号 新宿三井ビル53階 園田・小林特許事務所 Tokyo (JP).

(21) 国際出願番号: PCT/JP2005/005904

(81) 指定国(表示のない限り、全ての種類の国内保護が可能): AE, AG, AL, AM, AT, AU, AZ, BA, BB, BG, BR, BW, BY, BZ, CA, CH, CN, CO, CR, CU, CZ, DE, DK, DM, DZ, EC, EE, EG, ES, FI, GB, GD, GE, GH, GM, HR, HU, ID, IL, IN, IS, KE, KG, KP, KR, KZ, LC, LK, LR, LS, LT, LU, LV, MA, MD, MG, MK, MN, MW, MX, MZ, NA, NI, NO, NZ, OM, PG, PH, PL, PT, RO, RU, SC, SD, SE, SG, SK, SL, SM, SY, TJ, TM, TN, TR, TT, TZ, UA, UG, US, UZ, VC, VN, YU, ZA, ZM, ZW.

(22) 国際出願日: 2005 年3 月29 日 (29.03.2005)

(25) 国際出願の言語: 日本語

(26) 国際公開の言語: 日本語

(30) 優先権データ:  
特願2004-096989 2004 年3 月29 日 (29.03.2004) JP

(84) 指定国(表示のない限り、全ての種類の広域保護が可能): ARIPO (BW, GH, GM, KE, LS, MW, MZ, NA, SD, SL, SZ, TZ, UG, ZM, ZW), ユーラシア (AM, AZ, BY, KG, KZ, MD, RU, TJ, TM), ヨーロッパ (AT, BE, BG, CH, CY, CZ, DE, DK, EE, ES, FI, FR, GB, GR, HU, IE, IS, IT, LT, LU, MC, NL, PL, PT, RO, SE, SI, SK, TR), OAPI (BF, BJ, CF, CG, CI, CM, GA, GN, GQ, GW, ML, MR, NE, SN, TD, TG).

(71) 出願人(米国を除く全ての指定国について): 学校法人東海大学 (TOKAI UNIVERSITY) [JP/JP]; 〒1510063 東京都渋谷区宮ヶ谷2丁目28番4号 Tokyo (JP).

(71) 出願人 および

(72) 発明者: 猪子 英俊 (INOKO, Hidetoshi) [JP/JP]; 〒2450002 神奈川県横浜市泉区緑園一丁目19番地35 Kanagawa (JP).

(72) 発明者; および

(75) 発明者/出願人(米国についてのみ): 田宮 元 (TAMIYA, Gen) [JP/JP]; 〒2591143 神奈川県伊勢原市下糟屋2235番地2 Kanagawa (JP). 五條 堀 孝 (GOJOBORI, Takashi) [JP/JP]; 〒4110026 静岡県三島市東壱町田10-2 Shizuoka (JP).

添付公開書類:

- 国際調査報告書
- 請求の範囲の補正の期限前の公開であり、補正書受領の際には再公開される。
- 電子形式により別個に公開された明細書の配列表部分、請求に基づき国際事務局から入手可能

2文字コード及び他の略語については、定期発行される各PCTガゼットの巻頭に掲載されている「コードと略語のガイダンスノート」を参照。

(54) Title: MARKER GENE FOR ARTHROREUMATISM TEST

(54) 発明の名称: 関節リウマチ検査用マーカー遺伝子

(57) Abstract: It is intended to identify arthrorheumatism-sensitive genes by the use of a highly efficient, low cost microsatellite-using mapping method. Novel arthrorheumatism-sensitive genes, including TNXB, NOTCH4, RAB6A, MPRL48, UCP2 and UCP3 genes, in human genomic DNA sequence have been identified by implementing a case/control correlation analysis as to arthrorheumatism with the use of a, set at about 100 kb intervals, microsatellite polymorphic marker to thereby narrow down a candidate region and thereafter implementing a, using SNP as a marker, correlation analysis and linkage analysis.

(57) 要約: 高効率かつ低コストのマイクロサテライトを用いたマッピング方法により関節リウマチ感受性遺伝子を同定することを目的とする。本発明では、約100kbの間隔で設定したマイクロサテライト多型マーカーを用いて、関節リウマチに関するケース・コントロール相関解析を実施し、候補領域を絞り込んだ後、SNPをマーカーとする相関解析及び連鎖解析を実施することにより、ヒトゲノムDNA配列のTNXB、NOTCH4、RAB6A、MPRL48、UCP2又はUCP3遺伝子という新たな関節リウマチ感受性遺伝子を同定した。

WO 2005/093066 A1